

Laboklin Polska Sp. z o.o.  
Powstańców Śląskich 101  
01-495 Warszawa  
(022) 691 93 10.. 11.. 12

**Lecznica: 5602, Gombrowicza 1, 41-936 Bytom tel. 608-624-289**

Lek. kier: Mosór Aleksandra

**Nr zlecenia: 07727378**

Data przyjęcia materiału: 24.04.2023 Data wyniku: 29.04.2023 Materiał: Krew EDTA

**Właściciel: Wasilewski Damian**

**Gatunek: Kot Rasa: Ragdoll Imię: BONNIE Płeć: Samica Data urodzenia: 09-08-2021**

**Nr Mikrochipu: 616024090076860 Tatuaż: --- Księga rodowodowa:**

Badanie	Wynik	Jedn.	Norma
---------	-------	-------	-------

8046 PKD

wynik badania nr:2304-W-27909

Wielotorbielowatość nerek (PKD)

Wynik: Genotyp: N/N

Interpretacja:

Badany kot posiada prawidłowy gen w układzie homozygotycznym i nie jest nosicielem mutacji w genie PKD-1, która jest odpowiedzialna za powstawanie wielotorbielowatości nerek (PKD).

Typ dziedziczenia: autosomalny dominujący

Księga rodowodowa nr: ---

Chip nr: 616024090076860

Tatuaż: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

8080 HCM Mutacja 1

wynik badania nr:2304-W-27909

Kardiomiopatia przerostowa (HCM1)

Wynik: Genotyp: N/N

Interpretacja:

Badany kot jest homozygotą pod względem prawidłowego genu i nie jest nosicielem mutacji w genie MYBPC3 (A31P), która jest odpowiedzialna za występowanie kardiomiopatii przerostowej (HCM).

Typ dziedziczenia: autosomalny dominujący

Badania naukowe potwierdziły korelację pomiędzy mutacją a objawami choroby u rasy Maine Coon i ras spokrewnionych.

Księga rodowodowa nr: ---

Chip nr: 616024090076860

Tatuaż nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

Laboklin Polska Sp. z o.o.  
Powstańców Śląskich 101  
01-495 Warszawa  
(022) 691 93 10.. 11.. 12

**Lecznica: 5602, Gombrowicza 1, 41-936 Bytom tel. 608-624-289**

Lek. kier: Mosór Aleksandra

**Nr zlecenia: 07727378**

Data przyjęcia materiału: 24.04.2023 Data wyniku: 29.04.2023 Materiał: Krew EDTA

**Właściciel: Wasilewski Damian**

**Gatunek: Kot Rasa: Ragdoll Imię: BONNIE Płeć: Samica Data urodzenia: 09-08-2021**

**Nr Mikrochipu: 616024090076860 Tatuaż: --- Księga rodowodowa:**

Badanie	Wynik	Jedn.	Norma
---------	-------	-------	-------

8047 Niedobór kinazy pirogronianowej (PK)

wynik badania nr:2304-W-27909

Niedobór kinazy pirogronianowej (PK)

Wynik: Genotyp: N/N (wolny)

Interpretacja:

Badany kot nie jest nosicielem mutacji w genie PKLR, która jak się uważa, jest odpowiedzialna za niedobór kinazy pirogronianowej (PK).

Typ dziedziczenia: autosomalny recesywny

Księga rodowodowa nr: ---

Chip nr: 616024090076860

Tatuaż nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

8113 Choroba spichrzeniowa glikogenu GSD IV

wynik badania nr: 2304-W-27909

Choroba spichrzeniowa glikogenu (GSDIV)

Wynik: Genotyp N/N

Interpretacja:

Badany kot posiada prawidłowy allel w układzie homozygotycznym. Kot nie jest nosicielem mutacji w genie GBE1 odpowiedzialnej za chorobę spichrzeniową glikogenu typ IV

Typ dziedziczenia: autosomalny recesywny

Badania naukowe wykazały korelację pomiędzy mutacją i objawami choroby u rasy Norweski Leśny i ras spokrewnionych.

Księga rodowodowa nr: ---

Chip nr: 616024090076860

Tatuaż nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

Laboklin Polska Sp. z o.o.  
Powstańców Śląskich 101  
01-495 Warszawa  
(022) 691 93 10.. 11.. 12

**Lecznica: 5602, Gombrowicza 1, 41-936 Bytom tel. 608-624-289**

Lek. kier: Mosór Aleksandra

**Nr zlecenia: 07727378**

Data przyjęcia materiału: 24.04.2023 Data wyniku: 29.04.2023 Materiał: Krew EDTA

**Właściciel: Wasilewski Damian**

**Gatunek: Kot Rasa: Ragdoll Imię: BONNIE Płeć: Samica Data urodzenia: 09-08-2021**

**Nr Mikrochipu: 616024090076860 Tatuaż: --- Księga rodowodowa:**

Badanie	Wynik	Jedn.	Norma
---------	-------	-------	-------

8116 Kardiomiopatia przerostowa (HCM3) (Ragdoll)

Wynik badania nr:2304-W-27909

Kardiomiopatia przerostowa (HCM)

Wynik: Genotyp: N/N

Interpretacja:

Badany kot jest homozygotą pod względem prawidłowego genu i nie jest nosicielem mutacji w genie MYBPC3 (R820W), która jest odpowiedzialna za występowanie kardiomiopatii przerostowej (HCM).

Typ dziedziczenia: autosomalny dominujący

Badania naukowe wykazały korelację pomiędzy mutacją a objawami choroby dla rasy Ragdoll i ras spokrewnionych.

Księga rodowodowa nr: ---  
Numer chip: 616024090076860  
Tatuaż: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

8117 Postępujący zanik siatkówki (rdAc-PRA)

wynik badania nr: 2304-W-27909

Postępujący zanik siatkówki (PRA) rdAc-PRA

Wynik: Genotyp N/N

Interpretacja:

Badany kot posiada prawidłowy gen w układzie homozygotycznym. Kot nie jest nosicielem mutacji w genie CEP290 odpowiedzialnej za rdAc-PRA.

Typ dziedziczenia: autosomalny recesywny

Księga rodowodowa nr: ---  
Chip nr: 616024090076860  
Tatuaż nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

Laboklin Polska Sp. z o.o.  
Powstańców Śląskich 101  
01-495 Warszawa  
(022) 691 93 10.. 11.. 12

**Lecznica: 5602, Gombrowicza 1, 41-936 Bytom tel. 608-624-289**

Lek. kier: Mosór Aleksandra

**Nr zlecenia: 07727378**

Data przyjęcia materiału: 24.04.2023 Data wyniku: 29.04.2023 Materiał: Krew EDTA

**Właściciel: Wasilewski Damian**

**Gatunek: Kot Rasa: Ragdoll Imię: BONNIE Płeć: Samica Data urodzenia: 09-08-2021**

**Nr Mikrochipu: 616024090076860 Tatuż: --- Księga rodowodowa:**

Badanie	Wynik	Jedn.	Norma
---------	-------	-------	-------

8123 Rdzeniowy zanik mięśni (SMA)

wynik badania nr: 2304-W-27909

Rdzeniowy zanik mięśni kot - SMA

Wynik: genotyp: N/N (wolny)

Interpretacja:

Badany kot posiada prawidłowy gen w układzie homozygotycznym i nie jest nosicielem mutacji w genie LIX1-LNPEP odpowiedzialnej za SMA.

Typ dziedziczenia: autosomalny recesywny

Badania naukowe potwierdziły korelację pomiędzy mutacją i objawami choroby u rasy Maine Coon i ras spokrewnionych.

Księga rodowodowa nr: ---

Chip nr: 616024090076860

Tatuż nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.

**8121 Genetyczne oznaczenie grupy krwi**

wynik badania nr:2304-W-27909

Genetyczne oznaczenie grupy krwi u kota (PCR)

Wynik: Genotyp: b/b

Badany kot jest homozygotycznym nosicielem jednego z wariantów genetycznych, który do tej pory został wykryty jako skorelowany z serologiczną grupą krwi B.

Test wykrywa genetyczne warianty alleli b i c.

Szereg alleli: N>c>b

Badania naukowe wykazały korelację pomiędzy allelem c i serologiczną grupą krwi AB (C) wyłącznie dla kotów rasy Ragdoll.

Księga rodowodowa nr: ---

Chip nr: 616024090076860

Tatuż nr: ---

Badania genetyczne zostały wykonane w Laboklin GmbH, Steubenst. 4, Bad Kissingen, Niemcy. Laboratorium jest akredytowane zgodnie z normą DIN EN ISO/IEC 17025:2018 do wykonywania w/w usług (z wyjątkiem testów wykonywanych w laboratorium współpracującym). Laboklin Polska Sp. z o.o. pełni rolę pośrednika pomiędzy zlecającym a wykonującym.

Wysyłający lekarz weterynarii jest odpowiedzialny za prawidłową identyfikację zwierzęcia wraz z jego danymi dotyczącymi wysłanej próbki.

Nie podlega gwarancji.

Roszczenia dotyczące odszkodowania są ograniczone do wysokości wartości wykonanego testu laboratoryjnego, jeżeli prawo nie stanowi inaczej.

Istnieje możliwość, że inne mutacje mogą powodować tę chorobę/fenotyp. Badanie zostało wykonane zgodnie z najnowszą wiedzą i zgodnie z najnowszą technologią.